



SZABO SCANDIC

Part of Europa Biosite

Produktinformation



Forschungsprodukte & Biochemikalien



Zellkultur & Verbrauchsmaterial



Diagnostik & molekulare Diagnostik



Laborgeräte & Service

Weitere Information auf den folgenden Seiten!
See the following pages for more information!



Lieferung & Zahlungsart

siehe unsere [Liefer- und Versandbedingungen](#)

Zuschläge

- Mindermengenzuschlag
- Trockeneiszuschlag
- Gefahrgutzuschlag
- Expressversand

SZABO-SCANDIC HandelsgmbH

Quellenstraße 110, A-1100 Wien

T. +43(0)1 489 3961-0

F. +43(0)1 489 3961-7

mail@szabo-scandic.com

www.szabo-scandic.com

[linkedin.com/company/szaboscandic](https://www.linkedin.com/company/szaboscandic) 

Data Sheet

Product Name: CancerSeq™ Paraffin Tumor Tissue Block

Catalog No.: T2235090-SB

Lot No.: B702063

Species: Human

Tissue Type: Adult Tumor

Tissue Name: Colon

Donor Information: Y0246

Female: 74 year(s) old

Clinical Diagnosis: Adenocarcinoma

Summary of 48 Biomarkers Sequencing Information

Gene Name	# Variant	Genome Build	Chromosome	Gene Name	# Variant	Genome Build	Chromosome
ABL1	4	hg19	chr9	JAK2	0	hg19	chr9
AKT1	10	hg19	chr14	JAK3	1	hg19	chr19
ALK	0	hg19	chr2	KDR	12	hg19	chr4
APC	10	hg19	chr5	KIT	13	hg19	chr4
ATM	23	hg19	chr11	KRAS	2	hg19	chr12
BRAF	0	hg19	chr7	MET	2	hg19	chr7
CDH1	4	hg19	chr16	MLH1	0	hg19	chr3
CDKN2A1	0	hg19	chr9	MPL	0	hg19	chr1
CSF1R	0	hg19	chr5	NOTCH1	1	hg19	chr9
CTNNB1	2	hg19	chr3	NPM1	1	hg19	chr5
EGFR	4	hg19	chr7	NRAS	5	hg19	chr1
ERBB2	1	hg19	chr17	PDGFRA	3	hg19	chr4
ERBB4	8	hg19	chr2	PIK3CA	10	hg19	chr3
FBXW7	5	hg19	chr4	PTEN	8	hg19	chr10
FGFR1	4	hg19	chr8	PTPN11	1	hg19	chr12
FGFR2	4	hg19	chr10	RB1	7	hg19	chr13
FGFR3	6	hg19	chr4	RET	4	hg19	chr10
FLT3	7	hg19	chr13	SMAD4	7	hg19	chr18
GNA11	17	hg19	chr19	SMARCB1	5	hg19	chr22
GNAQ	28	hg19	chr9	SMO	4	hg19	chr7
GNAS	0	hg19	chr20	SRC	1	hg19	chr20
HNF1A	5	hg19	chr12	STK11	3	hg19	chr19
HRAS	2	hg19	chr11	TP53	8	hg19	chr17
IDH1	1	hg19	chr2	VHL	8	hg19	chr3

UK & Rest of World

184 Milton Park, Abingdon
OX14 4SE, Oxon, UK
Tel: +44 (0) 1235 828 200
Fax: +44 (0) 1235 820 482

Switzerland

Centro Nord-Sud 2E
CH-6934 Bioggio-Lugano
Tel: +41 (0) 91 604 55 22
Fax: +41 (0) 91 605 17 85

Deutschland

Bockenheimer Landstr. 17/19
60325 Frankfurt/Main
Tel: +49 (0) 69 779099
Fax: +49 (0) 69 13376880

North America

23591 El Toro Rd, Suite #180
Lake Forest, CA 92630
Tel: +1 800 987 0985
Fax: +1 949 265 7703

amsbio

info@amsbio.com

www.amsbio.com
AMS Biotechnology

Details of Variants

Column Header	Definition
Gene Name	The target region for sequencing.
dbSNP ID	The identifier for the variant in the NCBI dbSNP database.
Genome Build	The version of the human genome sequence database.
Chromosome	The chromosome where the target region is located.
Coordinate	The genomic position of the variant in the build of the genome database.
Variant Type	The variant type, which can be either SNP or indel.
Reference	The reference allele of the variation.
Allele Type	The type of variation, either heterozygous or homozygous.
Call	The allele call, including both the reference and alternate alleles.
Coverage	The number of reads that cover the region.
Variant Frequency	The fraction of reads for the sample that includes the variant. For example, if the reference base at a particular position is A and sample 1 has 60 A reads and 40 T reads, then the SNP has a variant frequency of 0.4.
Score	A prediction of the probability of an incorrect base call.

Gene Name	dbSNP ID	Genome Build	Chromosome	Coordinate	Variant Type	Reference	Allele Type	Call	Coverage	Variant Frequency	Score
ABL1_1		hg19	chr9	1.34E+08	Deletion	TG	het	G/-	120	0.0333	21
ABL1_9		hg19	chr9	1.34E+08	SNP	C	het	C/T	76	0.0526	29
ABL1_9		hg19	chr9	1.34E+08	SNP	C	het	C/T	117	0.0342	22
ABL1_9		hg19	chr9	1.34E+08	SNP	C	het	C/T	116	0.0345	22
APC2		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	C	het	C/T	525	0.0229	25
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	C	het	C/T	641	0.0234	30
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	C	het	C/T	591	0.4399	100
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	G	het	G/A	539	0.026	33
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	C	het	C/A	445	0.0337	48
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	C	het	C/T	538	0.0204	20
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	G	het	G/A	561	0.0214	23
APC3_42	rs41115	hg19	chr5	1.12E+08	SNP	G	het	G/A	1081	0.9926	100
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	C	het	C/T	616	0.0211	23
APC3_42		hg19	chr5	1.12E+08	SNP	A	het	A/G	260	0.0269	23
ATM1		hg19	chr11	1.08E+08	Insertion	A	het	-/T	553	0.047	100
ATM1		hg19	chr11	1.08E+08	Deletion	AT	het	T/-	553	0.1013	100
ATM1		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	556	0.0216	23
ATM10		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	109	0.0367	23
ATM14		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	340	0.0265	26
ATM14		hg19	chr11	1.08E+08	Deletion	AT	het	T/-	345	0.0522	83
ATM14		hg19	chr11	1.08E+08	Deletion	AT	het	T/-	343	0.0466	69
ATM15		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	A	het	A/T	456	0.0263	30
ATM16		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	525	0.0229	25
ATM17	rs227075	hg19	chr11	1.08E+08	SNP	T	het	T/C	147	0.3673	100
ATM17		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	T	het	T/C	74	0.0405	22
ATM18		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	264	0.0265	22
ATM18		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	T	het	T/G	381	0.0262	27
ATM18		hg19	chr11	1.08E+08	Deletion	AT	het	T/-	370	0.0378	51
ATM18		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	T	het	T/G	375	0.024	23
ATM18		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	T	het	T/G	423	0.0331	44
ATM18	rs664143	hg19	chr11	1.08E+08	SNP	A	het	A/G	484	0.5393	100
ATM18		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	480	0.0208	20
ATM3		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	T	het	T/C	185	0.0324	25
ATM6		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	518	0.0232	26
ATM7		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	612	0.0212	24
ATM7		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	835	0.0216	30

ATM9		hg19	chr11	1.08E+08	SNP	C	het	C/T	412	0.0218	20
CDH1_1		hg19	chr16	68835724	SNP	C	het	C/T	982	0.0183	22
CDH1_3		hg19	chr16	68847288	SNP	C	het	C/A	627	0.0447	100
CDH1_3		hg19	chr16	68847289	SNP	C	het	C/A	680	0.0294	50
CDH1_3		hg19	chr16	68847358	SNP	C	het	C/T	976	0.0205	29
CTNNB1_1_16		hg19	chr3	41266119	SNP	C	het	C/T	404	0.0248	25
CTNNB1_1_16		hg19	chr3	41266133	SNP	C	het	C/T	405	0.0222	21
EGFR1		hg19	chr7	55211125	SNP	C	het	C/T	349	0.0229	20
EGFR1		hg19	chr7	55211164	SNP	C	het	C/T	349	0.0229	20
EGFR54		hg19	chr7	55259533	SNP	C	het	C/T	630	0.0254	35
EGFR9		hg19	chr7	55242447	SNP	A	het	A/G	444	0.0293	37
ERBB2_1		hg19	chr17	37880316	SNP	C	het	C/T	669	0.0194	20
ERBB4_1_2		hg19	chr2	2.12E+08	SNP	C	het	C/T	392	0.0383	54
ERBB4_11		hg19	chr2	2.13E+08	SNP	T	het	T/G	264	0.0265	22
ERBB4_11		hg19	chr2	2.13E+08	SNP	T	het	T/G	255	0.0275	23
ERBB4_6_7		hg19	chr2	2.13E+08	Deletion	TAAAA	het	AAAA/-	115	0.0435	29
ERBB4_6_7		hg19	chr2	2.13E+08	Deletion	TAA	het	AA/-	115	0.1652	100
ERBB4_6_7		hg19	chr2	2.13E+08	Deletion	TA	het	A/-	115	0.3826	100
ERBB4_6_7		hg19	chr2	2.13E+08	Deletion	TAAA	het	AAA/-	115	0.1043	95
ERBB4_8		hg19	chr2	2.13E+08	SNP	C	het	C/T	470	0.0213	20
FBXW7_1		hg19	chr4	1.53E+08	SNP	C	het	C/T	213	0.0282	22
FBXW7_1		hg19	chr4	1.53E+08	SNP	A	het	A/G	290	0.0241	20
FBXW7_1		hg19	chr4	1.53E+08	SNP	C	het	C/T	310	0.0258	23
FBXW7_5		hg19	chr4	1.53E+08	SNP	T	het	T/C	175	0.0286	20
FBXW7_7		hg19	chr4	1.53E+08	SNP	C	het	C/T	336	0.0238	21
FGFR1_1	rs2280846	hg19	chr8	38282294	SNP	C	het	C/T	482	1	100
FGFR1_2		hg19	chr8	38285944	SNP	G	het	G/T	775	0.0232	33
FGFR1_2		hg19	chr8	38285945	SNP	G	het	G/T	772	0.0259	42
FGFR1_2		hg19	chr8	38285946	SNP	G	het	G/T	815	0.0209	27
FGFR2_5		hg19	chr10	1.23E+08	Deletion	GGC	het	GC/-	198	0.0505	51
FGFR2_5		hg19	chr10	1.23E+08	Insertion	A	het	-/T	219	0.032	27
FGFR2_5		hg19	chr10	1.23E+08	SNP	G	het	G/T	204	0.0343	29
FGFR2_5		hg19	chr10	1.23E+08	SNP	G	het	G/C	225	0.0489	54
FGFR3_3_4		hg19	chr4	1806170	SNP	C	het	C/T	116	0.0431	29
FGFR3_3_4		hg19	chr4	1806180	Insertion	G	het	-/C	119	0.0504	36
FGFR3_3_4		hg19	chr4	1806238	SNP	C	het	C/T	115	0.0348	22
FGFR3_5_7	rs7688609	hg19	chr4	1807894	SNP	G	het	G/A	121	1	100
FGFR3_5_7		hg19	chr4	1807896	SNP	C	het	C/T	126	0.0317	20
FGFR3_5_7		hg19	chr4	1807939	SNP	C	het	C/T	167	0.0299	21
FLT3_13		hg19	chr13	28602331	SNP	C	het	C/A	249	0.0321	30
FLT3_13		hg19	chr13	28602332	SNP	C	het	C/A	259	0.0386	41
FLT3_13		hg19	chr13	28602333	SNP	C	het	C/A	283	0.0318	31
FLT3_13		hg19	chr13	28602420	SNP	C	het	C/T	398	0.0251	26
FLT3_14		hg19	chr13	28608343	SNP	C	het	C/T	452	0.0265	31
FLT3_14		hg19	chr13	28608344	SNP	C	het	C/T	443	0.0316	42
FLT3_22	rs2491231	hg19	chr13	28610183	SNP	A	het	A/G	91	0.978	100
GNA11_4		hg19	chr19	3114856	SNP	C	het	C/T	34	0.0588	23
GNA11_4	rs3746069	hg19	chr19	3114864	SNP	C	het	C/T	35	0.6286	100
GNA11_4		hg19	chr19	3114869	SNP	G	het	G/A	40	0.05	21
GNA11_4		hg19	chr19	3114883	SNP	T	het	T/C	40	0.05	21
GNA11_4		hg19	chr19	3114896	SNP	C	het	C/A	44	0.0455	20
GNA11_4		hg19	chr19	3114910	SNP	A	het	A/T	40	0.05	21
GNA11_4		hg19	chr19	3114919	SNP	G	het	G/A	42	0.0476	20
GNA11_4		hg19	chr19	3114930	SNP	G	het	G/A	43	0.0465	20
GNA11_4		hg19	chr19	3114941	SNP	G	het	G/A	40	0.05	21
GNA11_5		hg19	chr19	3118932	SNP	G	het	G/A	39	0.0513	21
GNA11_6	rs4900	hg19	chr19	3119239	SNP	C	het	C/T	203	0.532	100
GNA11_6		hg19	chr19	3119263	SNP	G	het	G/A	409	0.022	20
GNA11_7		hg19	chr19	3120969	SNP	C	het	C/T	247	0.0567	72
GNA11_7		hg19	chr19	3120983	SNP	C	het	C/T	251	0.0279	24
GNA11_7		hg19	chr19	3121009	SNP	G	het	G/A	181	0.0276	20

GNA11_7		hg19	chr19	3121063	SNP	G	het	G/A	394	0.0305	36
GNA11_7		hg19	chr19	3121259	SNP	G	het	G/A	75	0.0533	30
GNAQ_4		hg19	chr9	80412450	SNP	T	het	T/G	154	0.039	30
GNAQ_4		hg19	chr9	80412522	SNP	C	het	C/T	198	0.0303	24
GNAQ_4		hg19	chr9	80412549	SNP	C	het	C/T	180	0.0278	20
GNAQ_5		hg19	chr9	80409492	SNP	C	het	C/A	175	0.0457	41
GNAQ_5		hg19	chr9	80409493	SNP	C	het	C/A	186	0.0753	88
GNAQ_5		hg19	chr9	80409494	SNP	C	het	C/A	176	0.0682	73
GNAQ_6		hg19	chr9	80343332	SNP	G	het	G/T	498	0.0261	32
GNAQ_6		hg19	chr9	80343459	SNP	T	het	T/C	60	0.05	25
GNAQ_6		hg19	chr9	80343587	Deletion	GA	het	A/-	230	0.2609	100
GNAQ_6		hg19	chr9	80343587	Deletion	GAA	het	AA/-	230	0.1391	100
GNAQ_6		hg19	chr9	80343587	Deletion	GAAA	het	AAA/-	230	0.0261	20
GNAQ_6	rs34210272	hg19	chr9	80343587	Insertion	G	het	-/A	230	0.1174	100
GNAQ_6		hg19	chr9	80343587	SNP	G	het	G/A	230	0.0261	20
GNAQ_7		hg19	chr9	80336193	SNP	C	het	C/T	230	0.0261	20
GNAQ_7		hg19	chr9	80336204	SNP	C	het	C/T	230	0.0304	26
GNAQ_7		hg19	chr9	80336354	SNP	T	het	T/G	525	0.0324	50
GNAQ_7		hg19	chr9	80336355	SNP	T	het	T/G	551	0.029	42
GNAQ_7		hg19	chr9	80336359	Deletion	ACTGT	het	CTGT/-	588	0.284	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336360	SNP	C	het	C/T	411	0.0268	29
GNAQ_7		hg19	chr9	80336430	Insertion	C	het	-/ATCA	679	0.2312	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336431	Insertion	T	het	-/A	681	0.2261	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336435	SNP	G	het	G/T	682	0.2331	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336437	SNP	C	het	C/G	673	0.2407	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336438	SNP	C	het	C/G	676	0.2382	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336441	Insertion	G	het	-/T	665	0.2466	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336442	Insertion	A	het	-/GTC	649	0.2404	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336446	SNP	A	het	A/T	668	0.2545	100
GNAQ_7		hg19	chr9	80336449	Insertion	A	het	-/T	619	0.2569	100
HNF1A_1		hg19	chr12	1.21E+08	SNP	C	het	C/T	209	0.0287	22
HNF1A_1		hg19	chr12	1.21E+08	Insertion	C	het	-/GG	333	0.027	26
HNF1A_1		hg19	chr12	1.21E+08	Insertion	C	het	-/G	333	0.027	26
HNF1A_1		hg19	chr12	1.21E+08	SNP	A	het	A/G	225	0.0933	100
HNF1A_3		hg19	chr12	1.21E+08	SNP	C	het	C/T	10	0.3	54
HRAS6		hg19	chr11	534323	SNP	C	het	C/T	102	0.0392	24
HRAS6		hg19	chr11	534410	SNP	C	het	C/T	14	0.0714	20
IDH1_1_2		hg19	chr2	2.09E+08	SNP	T	het	T/G	428	0.0257	28
JAK3_1		hg19	chr19	17945799	SNP	C	het	C/T	335	0.0299	31
KDR1		hg19	chr4	55946040	SNP	C	het	C/T	469	0.032	45
KDR1	rs4421048	hg19	chr4	55946081	SNP	A	het	A/G	542	1	100
KDR1		hg19	chr4	55946104	SNP	C	het	C/T	543	0.0221	24
KDR10		hg19	chr4	55979635	SNP	T	het	T/G	393	0.0229	21
KDR3		hg19	chr4	55953875	SNP	T	het	T/C	295	0.0237	20
KDR4		hg19	chr4	55955110	SNP	C	het	C/A	389	0.0386	55
KDR4		hg19	chr4	55955111	SNP	C	het	C/A	395	0.0456	74
KDR8		hg19	chr4	55962510	SNP	C	het	C/T	354	0.0226	20
KDR8		hg19	chr4	55962524	SNP	C	het	C/T	423	0.0236	24
KDR8	rs3214870	hg19	chr4	55962545	Insertion	T	het	-/G	425	0.5106	100
KDR9	rs1870377	hg19	chr4	55972974	SNP	T	het	T/A	972	0.4856	100
KDR9		hg19	chr4	55973020	SNP	C	het	C/T	1036	0.0212	33
KIT2		hg19	chr4	55592275	SNP	C	het	C/T	865	0.022	32
KIT20_21		hg19	chr4	55594336	SNP	C	het	C/T	817	0.0184	20
KIT22		hg19	chr4	55595552	SNP	T	het	T/G	450	0.0267	31
KIT23		hg19	chr4	55597537	SNP	T	het	T/C	472	0.0212	20
KIT23		hg19	chr4	55597598	SNP	C	het	C/T	587	0.0204	21
KIT24_28	rs1008658	hg19	chr4	55599436	SNP	T	het	T/C	584	0.5462	100
KIT29		hg19	chr4	55602702	SNP	T	het	T/G	285	0.0386	44
KIT29		hg19	chr4	55602703	SNP	T	het	T/G	290	0.0724	100
KIT29		hg19	chr4	55602704	SNP	T	het	T/G	290	0.0276	25
KIT3_19		hg19	chr4	55593395	SNP	C	het	C/T	384	0.0234	22
KIT3_19		hg19	chr4	55593575	SNP	C	het	C/A	487	0.0267	33

KIT3_19		hg19	chr4	55593640	SNP	T	het	T/G	483	0.0207	20
KIT3_19		hg19	chr4	55593657	SNP	C	het	C/T	499	0.022	23
KRAS2		hg19	chr12	25380274	SNP	C	het	C/T	164	0.0366	28
KRAS7		hg19	chr12	25398284	SNP	C	het	C/G	328	0.5701	100
MET1		hg19	chr7	1.16E+08	SNP	C	het	C/T	701	0.0228	30
MET2		hg19	chr7	1.16E+08	SNP	A	het	A/G	238	0.0252	20
NOTCH1_1		hg19	chr9	1.39E+08	SNP	C	het	C/T	77	0.039	21
NPM1		hg19	chr5	1.71E+08	SNP	T	het	T/G	181	0.0276	20
NRAS1_7		hg19	chr1	1.15E+08	SNP	A	het	A/G	25	0.08	27
NRAS1_7		hg19	chr1	1.15E+08	SNP	T	het	T/C	29	0.069	25
NRAS1_7		hg19	chr1	1.15E+08	SNP	T	het	T/C	31	0.0645	24
NRAS1_7		hg19	chr1	1.15E+08	SNP	A	het	A/G	32	0.0625	24
NRAS1_7		hg19	chr1	1.15E+08	Deletion	TG	het	G/-	31	0.0645	24
PDGFRA1_4	rs1873778	hg19	chr4	55141055	SNP	A	het	A/G	739	1	100
PDGFRA1_4		hg19	chr4	55141083	SNP	C	het	C/T	757	0.0211	27
PDGFRA5		hg19	chr4	55144252	SNP	C	het	C/T	420	0.0262	29
PIK3CA1		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	C	het	C/T	213	0.0282	22
PIK3CA12		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	C	het	C/T	287	0.0279	25
PIK3CA12		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	T	het	T/C	281	0.0249	21
PIK3CA13_20		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	T	het	T/G	338	0.0266	26
PIK3CA13_20		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	C	het	C/T	455	0.022	21
PIK3CA13_20		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	C	het	C/T	451	0.0266	31
PIK3CA2		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	C	het	C/T	314	0.0255	23
PIK3CA3		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	T	het	T/G	255	0.0275	23
PIK3CA3		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	C	het	C/T	332	0.0241	21
PIK3CA3		hg19	chr3	1.79E+08	SNP	C	het	C/T	325	0.0246	22
PTEN1		hg19	chr10	89624304	SNP	C	het	C/T	174	0.0575	56
PTEN13	rs555895	hg19	chr10	89720907	SNP	T	het	T/G	426	0.9906	100
PTEN3		hg19	chr10	89685314	SNP	T	het	T/C	178	0.0337	26
PTEN7		hg19	chr10	89717545	SNP	T	het	T/G	81	0.037	20
PTEN7		hg19	chr10	89717639	SNP	G	het	G/A	75	0.04	21
PTEN7		hg19	chr10	89717684	SNP	A	het	A/G	149	0.0403	31
PTEN7		hg19	chr10	89717720	SNP	G	het	G/A	149	0.0403	31
PTEN7		hg19	chr10	89717738	SNP	G	het	G/A	131	0.0305	20
PTPN11_10		hg19	chr12	1.13E+08	SNP	C	het	C/T	790	0.0228	33
RB1_1		hg19	chr13	48919193	SNP	T	het	T/G	552	0.0217	23
RB1_1		hg19	chr13	48919194	SNP	T	het	T/G	546	0.0714	100
RB1_1		hg19	chr13	48919195	SNP	T	het	T/G	524	0.0611	100
RB1_1		hg19	chr13	48919196	SNP	T	het	T/G	545	0.0385	71
RB1_2		hg19	chr13	48923148	SNP	T	het	T/G	233	0.0258	20
RB1_6		hg19	chr13	49027141	SNP	T	het	T/G	118	0.0593	45
RB1_8		hg19	chr13	49037846	SNP	T	het	T/G	283	0.0318	31
RET10	rs1800861	hg19	chr10	43613843	SNP	G	het	G/T	148	0.9932	100
RET11_12	rs1800863	hg19	chr10	43615633	SNP	C	het	C/G	401	0.2943	100
RET13		hg19	chr10	43617432	SNP	T	het	T/G	816	0.0184	20
RET13		hg19	chr10	43617433	SNP	T	het	T/G	841	0.025	42
SMAD4_1		hg19	chr18	48575202	SNP	C	het	C/T	509	0.0236	26
SMAD4_15		hg19	chr18	48604719	SNP	C	het	C/T	344	0.0233	21
SMAD4_2		hg19	chr18	48581199	SNP	G	het	G/T	658	0.0243	33
SMAD4_2		hg19	chr18	48581261	SNP	C	het	C/T	961	0.0177	20
SMAD4_3		hg19	chr18	48584593	SNP	C	het	C/T	646	0.0232	30
SMAD4_4		hg19	chr18	48586268	SNP	C	het	C/A	195	0.0564	60
SMAD4_5		hg19	chr18	48591904	SNP	C	het	C/T	463	0.4514	100
SMARCB1_1		hg19	chr22	24133990	SNP	C	het	C/T	167	0.0299	21
SMARCB1_1		hg19	chr22	24133995	SNP	C	het	C/T	203	0.0296	23
SMARCB1_3		hg19	chr22	24143346	SNP	C	het	C/T	564	0.023	27
SMARCB1_4	rs5751738	hg19	chr22	24145675	SNP	G	het	G/C	324	0.4815	100
SMARCB1_56		hg19	chr22	24176357	SNP	C	het	C/T	138	0.0362	25
SMO3	rs2735842	hg19	chr7	1.29E+08	SNP	A	het	A/G	71	0.4225	100
SMO3		hg19	chr7	1.29E+08	SNP	C	het	C/T	32	0.0938	35

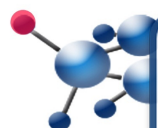
SMO5		hg19	chr7	1.29E+08	SNP	C	het	C/A	42	0.0476	20
SMO5		hg19	chr7	1.29E+08	Deletion	TG	het	G/-	78	0.0513	29
SRC		hg19	chr20	36031784	SNP	C	het	C/T	13	0.0769	21
STK11_4		hg19	chr19	1220518	Deletion	AG	het	G/-	220	0.05	54
STK11_8		hg19	chr19	1221279	SNP	G	het	G/A	311	0.0418	53
STK11_8		hg19	chr19	1221313	Deletion	GC	het	C/-	308	0.0292	29
TP53_1		hg19	chr17	7574114	SNP	C	het	C/T	307	0.0326	35
TP53_3		hg19	chr17	7577102	SNP	C	het	C/T	275	0.0255	21
TP53_31_59	rs1625895	hg19	chr17	7578115	SNP	T	het	T/C	213	0.9953	100
TP53_31_59		hg19	chr17	7578209	SNP	G	het	G/A	279	0.0287	26
TP53_31_59		hg19	chr17	7578460	SNP	A	het	A/G	320	0.3656	100
TP53_60		hg19	chr17	7579408	SNP	C	het	C/T	80	0.0375	20
TP53_60	rs1042522	hg19	chr17	7579472	SNP	G	het	G/C	65	0.3692	100
TP53_64		hg19	chr17	7579910	SNP	C	het	C/T	617	0.0194	20
VHL1_2		hg19	chr3	10183856	SNP	A	het	A/G	22	0.0909	28
VHL1_2		hg19	chr3	10183858	SNP	C	het	C/T	25	0.08	27
VHL3_5		hg19	chr3	10188263	SNP	T	het	T/G	410	0.022	20
VHL3_5		hg19	chr3	10188310	SNP	C	het	C/T	605	0.0215	24
VHL6_8		hg19	chr3	10191512	SNP	C	het	C/T	158	0.0316	22
VHL6_8		hg19	chr3	10191539	SNP	C	het	C/T	178	0.0281	20
VHL6_8		hg19	chr3	10191557	SNP	C	het	C/T	179	0.0391	33
VHL6_8		hg19	chr3	10191595	SNP	A	het	A/G	166	0.0482	42

Important Notes:

1. All the sequencing data was obtained from the first 10 sections at 10 um thickness, there might be variations.
2. All the sequencing procedure was strictly followed Illumina's instructions, the data provided in the above tables are raw data from the vendor's system. It will be customers' discretion to determine which SNPs are valid.

Components:

1. 1 Block
2. 1 data sheet
3. Certificate of Analysis

FOR IN VITRO RESEARCH USE ONLY**APPROVED BY:** **UK & Rest of World**

184 Milton Park, Abingdon
OX14 4SE, Oxon, UK
Tel: +44 (0) 1235 828 200
Fax: +44 (0) 1235 820 482

Switzerland

Centro Nord-Sud 2E
CH-6934 Bioggio-Lugano
Tel: +41 (0) 91 604 55 22
Fax: +41 (0) 91 605 17 85

Deutschland

Bockenheimer Landstr. 17/19
60325 Frankfurt/Main
Tel: +49 (0) 69 779099
Fax: +49 (0) 69 13376880

North America

23591 El Toro Rd, Suite #180
Lake Forest, CA 92630
Tel: +1 800 987 0985
Fax: +1 949 265 7703

amsbio

info@amsbio.com

www.amsbio.com
AMS Biotechnology